

*Numéro HER*  
596

### Identification

|                   |                                 |                            |  |
|-------------------|---------------------------------|----------------------------|--|
| <i>Nom</i><br>596 | <i>Morphotype</i><br>Siphophage | <i>Autres désignations</i> |  |
|-------------------|---------------------------------|----------------------------|--|

### Taxonomie

|                |                |                      |               |
|----------------|----------------|----------------------|---------------|
| <i>Domaine</i> | <i>Règne</i>   | <i>Embranchement</i> | <i>Classe</i> |
| <i>Ordre</i>   | <i>Famille</i> | <i>Genre</i>         | <i>Espèce</i> |

### Images

|  |                                     |
|--|-------------------------------------|
| <i>Photo en microscopie électronique</i> | <i>Description de l'image</i>       |
| <i>Caractéristique</i>                   | <i>Séquence génomique</i><br>Activé |

### Conditions de propagation

*Hôtes bactériens*  
1596

*Référence*  
de Melo AG, Rousseau GM, Tremblay DM, Labrie SJ, Moineau S. DNA tandem repeats contribute to the genetic diversity of Brevibacterium aurantiacum phages. Environ Microbiol. 2020 Aug;22(8):3413-3428. doi: 10.1111/1462-2920.15113.

*Remarque*

## Historique

*Historique*

*Source*

*Dernière mise à jour*  
2024-01-23